

Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2020

Théorie 20 % - Pratique 80 % - 10 stagiaires par session – 1 poste par stagiaire

Module 8bis Analyse primaire de données issues de séquenceurs nouvelle génération sous Galaxy (16 octobre 2020)

Objectifs pédagogiques

Connaître les concepts et méthodes bioinformatiques utilisés pour l'analyse primaire de données issues de séquenceurs nouvelle génération (NGS).
Savoir effectuer un alignement sur un génome de référence, un assemblage de novo d'un génome bactérien

Programme

Théorie

•Présentation des différents types de technologies de séquençage (lectures longues et courtes)

Pratique

Analyse des données de séquençage d'un génome bactérien

- Contrôle qualité
- Assemblage de-novo
 - Nettoyage des données
 - Assemblage (lectures longues, hybrides)
 - Visualisation et statistiques sur l'assemblage
- Alignement de lectures sur un génome de référence et visualisation

Tous les TPs seront réalisés sous l'environnement d'exécution de traitements Galaxy.

Pré-requis

Avoir suivi le module 17 (Galaxy) ou maîtriser l'utilisation de Galaxy

Dates & Horaires	Durée	Intervenants	Tarifs (Hors Taxe)
16 octobre 2020 9H30 ~ 17H00	1 jour	Valentin Loux / Cédric Midoux	150 euros (INRAE) 170 euros (Académique) 550 euros (Non académique)
Modalités de paiement	Conditions d'annulation	Contacts	
Uniquement par bon de commande	En l'absence d'annulation par mail avant le 2 octobre 2020 , le paiement sera dû	<i>veronique.martin@inra.fr</i> 01 34 65 2974 <i>formation.migale@inra.fr</i>	