

Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2020

Théorie 50 % - Pratique 50 % - 10 stagiaires par session – 1 poste par stagiaire

Module 23 Analyse Traitement bioinformatique et analyse différentielle de données d'expression RNA-seq sous Galaxy (17, 18 et 19 mars 2021)

Objectifs pédagogiques

A l'issue de cette formation, vous serez capable, dans le cadre d'une analyse de données RNA-seq avec génome de référence et plan d'expérience simple :

- de connaître le vocabulaire et les concepts bioinformatiques et biostatistiques ;
- de savoir enchaîner de façon pertinente un ensemble d'outils bioinformatiques et biostatistiques dans l'environnement Galaxy ;
- de comprendre le matériel et méthodes d'un article du domaine ;
- d'évaluer la pertinence d'une analyse RNA-seq en identifiant les éléments clés et comprendre les particularités liées à la nature des données.

Programme

Bioinformatique

- S'initier à l'environnement Galaxy
- Obtenir des données de qualité : nettoyage, filtrage, qualité
- Aligner les lectures sur un génome de référence
- Détecter de nouveaux transcrits
- Quantifier l'expression des gènes

Biostatistique

- Construire un plan d'expérience simple
- Normaliser les données de comptage
- Identifier les gènes différentiellement exprimés
- Se sensibiliser aux tests multiples

Dates & Horaires	Durée	Intervenants	Tarifs (Hors Taxe)
17, 18 et 19 mars 2021 9H00 ~ 17H30	3 jours	Cyprien Guérin / Valentin Loux / Christelle Hennequet- Antier / Julie Aubert	450 euros (INRAE) 510 euros (Académique) 1650 euros (Non académique)
Modalités de paiement	Conditions d'annulation	Contacts	
Uniquement par bon de commande	En l'absence d'annulation par mail avant le 3 mars 2021 , le paiement sera dû	veronique.martin@inra.fr 01 34 65 2974 formation.migale@inra.fr	