

# Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2021

*Théorie 20 % - Pratique 80 % - 10 stagiaires par session – 1 poste par stagiaire*

## Module 8bis **Analyse primaire de données** **issues de séquenceurs nouvelle génération sous** **Galaxy** (17 février 2021)

### Objectifs pédagogiques

Connaître les concepts et méthodes bioinformatiques utilisés pour l'analyse primaire de données issues de séquenceurs nouvelle génération (NGS).  
Savoir effectuer un alignement sur un génome de référence, un assemblage de novo d'un génome bactérien

### Programme

#### Théorie

•Présentation des différents types de technologies de séquençage (lectures longues et courtes)

#### Pratique

Analyse des données de séquençage d'un génome bactérien

- Contrôle qualité
- Assemblage de-novo
  - Nettoyage des données
  - Assemblage
  - Visualisation et statistiques sur l'assemblage
- Alignement de lectures sur un génome de référence et visualisation

Tous les TPs seront réalisés sous l'environnement d'exécution de traitements Galaxy.

### Pré-requis

- *Avoir suivi le module 17 (Galaxy) ou maîtriser l'utilisation de Galaxy*
- *Avoir une connexion internet de bonne qualité permettant le suivi de visioconférence et le partage d'écran*
- *Avoir une Webcam*
- \* *Un test sera organisé une semaine avant la formation*

Dates & Horaires	Durée	Intervenants	Tarifs (Hors Taxe)
17 février 2021 9H30 ~ 17H00	1 jour	Valentin Loux / Cédric Midoux	150 euros (INRAE) 170 euros (Académique) 550 euros (Non académique)
Modalités de paiement	Conditions d'annulation	Contacts	
Uniquement par bon de commande	En l'absence d'annulation par mail avant le <b>3 février 2021</b> , le paiement sera dû	<i>veronique.martin@inrae.fr</i> 01 34 65 2974 <i>formation.migale@inrae.fr</i>	